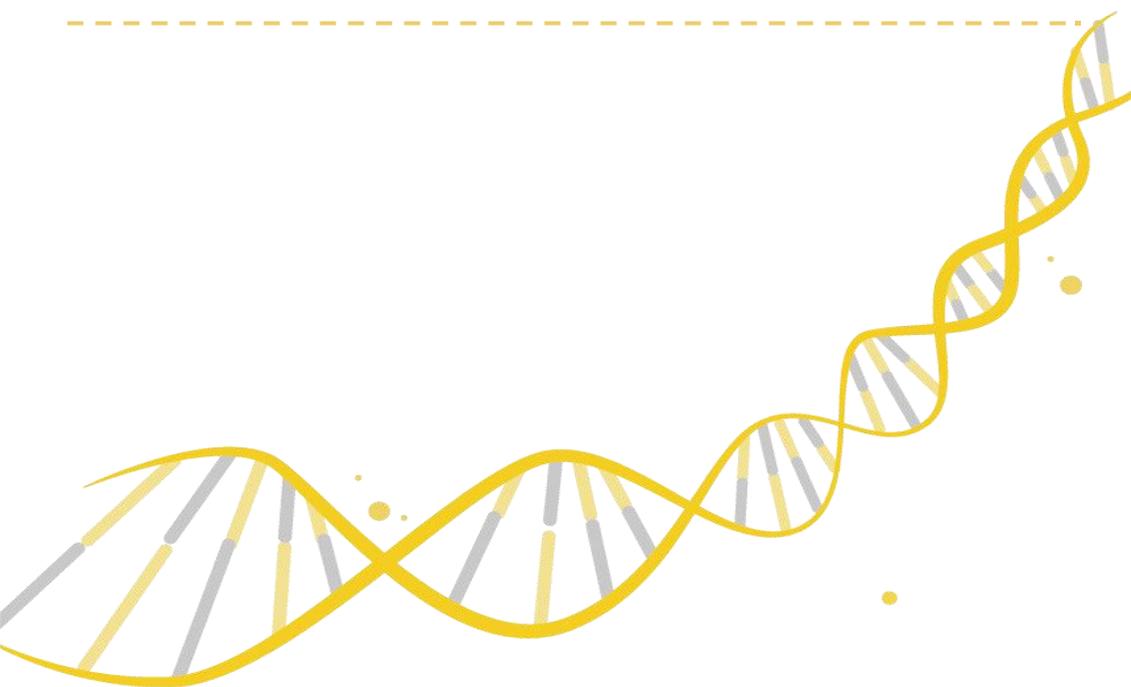




# One-step DNA Lib Prep Kit for Illumina V2 (1 ng Input DNA)

**RK20237**



[www.abclonal.com.cn](http://www.abclonal.com.cn)

version: N17A04v4.1

# 目录

1. 产品介绍 .....	1
2. 产品组分 .....	1
3. 保存条件 .....	2
4. 自备的材料 .....	2
5. 注意事项 .....	2
6. 实验原理和流程 .....	3
7. 样本准备 .....	5
8. 操作步骤 .....	5
8.1 DNA 片段化与产物纯化 .....	5
8.2 PCR 文库富集 .....	7
8.3 扩增产物纯化方案 .....	8
8.4 扩增产物片段大小分选方案 .....	9
9. 附录 .....	10

# 1. 产品介绍

One-step DNA Lib Prep Kit for Illumina V2 是针对纯化的 DNA 样品进行快速文库构建的试剂盒。其原理是采用转座酶对 DNA 进行片段化并同时加上部分接头序列，再使用 N5(N5XX)和 N7(N7XX)进行 PCR 扩增，即可获得用于高通量测序的文库。与传统的 DNA 文库构建方法相比，降低了模板量的需求，减少了对仪器的依赖，且显著缩短了文库构建时间。构建的文库经质检合格后可直接用于 Illumina 平台测序分析。

该试剂盒适用于各类纯化的 DNA 样品（人、动物、植物、微生物基因组及纯化的 PCR 产物），起始模板 DNA 投入量为 1 ng。若为 PCR 样品，PCR 产物片段长度应大于 300 bp。因为转座酶无法作用于 DNA 末端，为了防止 PCR 文库末端覆盖度的降低，建议将 PCR 产物末端延长 50 bp。

试剂盒中的每种试剂都经过了严格的质量控制，保证产品的稳定性和可重复性。

# 2. 产品组分

名称	8 RXN	24 RXN	96 RXN
● Tagment Enzyme T1	40 μL	120 μL	480 μL
● 5X Tagment Buffer	32 μL	96 μL	384 μL
● 6X Termination Buffer*	20 μL	60 μL	240 μL
● PCR Mix	184 μL	552 μL	2208 μL
● Control DNA (25 ng/μL)	20 μL	20 μL	20 μL

\*，注：该组分使用前室温溶解，如果该组分出现了沉淀，属于正常现象；请在水浴 37°C 中进行溶解，充分混匀后使用。

## 3. 保存条件

-20°C保存，采用干冰运输条件。

## 4. 自备的材料

磁珠：AFTMag NGS DNA Clean Beads (ABclonal, Cat.NO. RK20257)。

PCR primer 试剂盒：Dual DNA Adapter 96 Kit for One-step DNA Lib Prep (ABclonal, Cat.NO. RK20290)。

DNA 质控：ABQubit dsDNA Quantitation Kit (ABclonal, Cat.NO. RK30140)、Agilent 2100 Bioanalyzer。

其他试剂：80%乙醇溶液（新鲜配置）、超纯水等。

其他仪器耗材：PCR 仪器、（漩涡）振荡器、桌面微型离心机、低吸附 EP 管、移液吸头、低吸附薄壁 PCR 管（200  $\mu$ L）、磁力架、单道或多道移液器。

## 5. 注意事项

### 5.1 关于 Input DNA

5.1.1 纯化后的 Input DNA，溶于灭菌超纯水中。

5.1.2 本试剂盒对 Input DNA 的量非常敏感，所以准确的 DNA 浓度测定对实验成功非常重要。推荐使用 Qubit 对 DNA 样品进行浓度测定。

5.1.3 本试剂盒对应 Input DNA 投入量为 1 ng，其它模板 DNA 投入量请参照对应产品的说明书（5ng, ABclonal, Cat.NO. RK20238; 50 ng, ABclonal, Cat.NO. RK20239）。

5.1.4 本试剂盒配套了一个 Control DNA (25 ng/ $\mu$ L)样本，可用来作为阳性对照样本建库。

## 5.2 关于磁珠的使用

5.2.1 磁珠使用前应先平衡至室温，否则会导致得率下降、分选效果不佳。

5.2.2 磁珠每次使用前都应充分振荡混匀。

5.2.3 轻轻吸取磁珠、加入 PCR 管中时，管壁、枪头不要残留磁珠。

5.2.4 转移上清时，请勿吸取磁珠，即使微量残留都将影响后续文库质量。

5.2.5 磁珠漂洗使用的 80%乙醇应现用现配，否则将影响回收效率。

5.2.6 产物洗脱前应将磁珠置于室温干燥。干燥不充分容易造成无水乙醇残留影响后续反应；过分干燥又会导致磁珠开裂进而降低纯化得率。通常情况下，室温干燥 3-5 min 足以让磁珠充分干燥。

## 6. 实验原理和流程

### 6.1 实验原理

Tagment Enzyme 中包含转座酶和接头 Adapter 1 和 Adapter 2。将该预混液和 DNA 混合，55°C 孵育 5 min，即可实现 DNA 片段化的同时末端加上接头。再使用 N5(N5XX)和 N7(N7XX)进行 PCR 扩增，即可获得用于高通量测序的文库。

## 6.2 实验流程

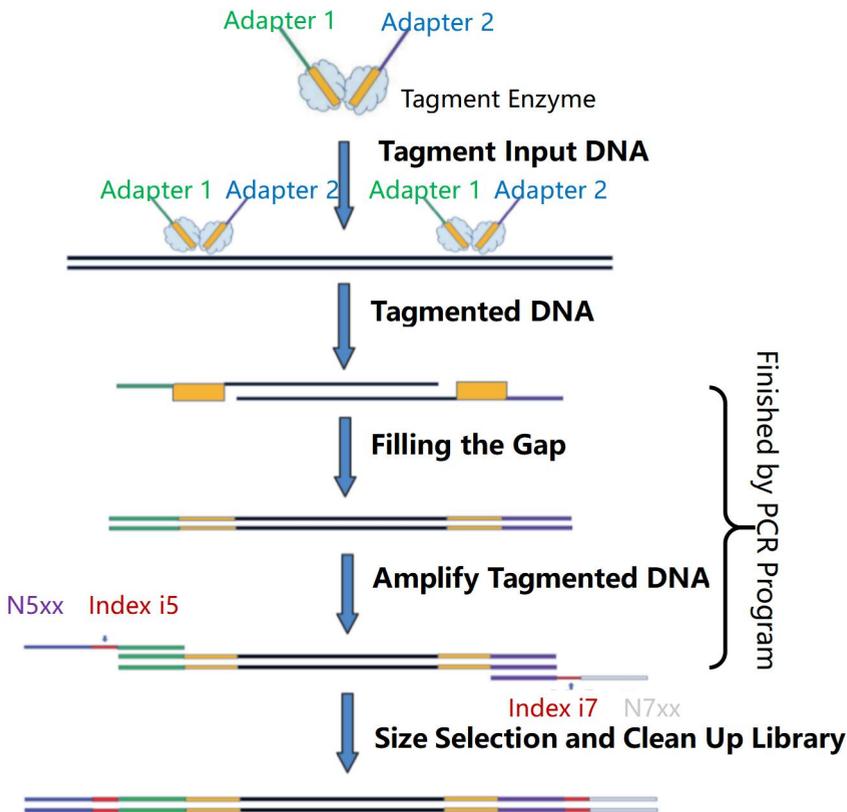


图 1. 实验流程图

## 6.3 文库结构

5'-AATGATACGGCGACCACCGAGATCTACAC(i5-index)TCGTCCGACGCGTCAGAT  
GTGTATAAGAGACAG-NNNNN-CTGTCTCTTATACACATCTCCGAGCCCACGAGAC  
(i7-index)ATCTCGTATGCCGTCTTCTGCTTG-3'

## 7. 样本准备

纯化的 DNA 样本溶于灭菌后超纯水中。试剂盒对 Input DNA 投入量较为敏感，建议采用 Qubit 对 DNA 样品进行准确定量。本试剂盒 Input DNA 投入量为 1 ng，Input DNA 量过多会导致文库打断的片段偏大，Input DNA 量过少，会导致文库打断的片段偏小。如果 Input DNA 投入量较大，可以选择 ABclonal 其它试剂盒(5ng, ABclonal, Cat.NO. RK20238; 50 ng, ABclonal, Cat.NO. RK20239)。

## 8. 操作步骤

### 8.1 DNA 片段化与产物纯化

#### 8.1.1 试剂准备

试剂	储存条件	使用说明
● 5X Tagment Buffer	-20°C	冰上解冻后涡旋混匀，离心后使用
样品 DNA	-20°C	冰上解冻后涡旋混匀，离心后使用
● Tagment Enzyme T1	-20°C	冰上解冻后涡旋混匀，离心后使用
ddH <sub>2</sub> O	-20°C	融化后直接使用
● 6X Termination Buffer	-20°C	室温溶解，观察其是否存在沉淀，若存在沉淀，请 37°C加热溶解混匀，离心后使用
AFTMag NGS DNA Clean Beads	4°C	使用前室温平衡半小时，使用前涡旋混匀
80%乙醇	室温	将无水乙醇稀释至 80%浓度，现配现用

### 8.1.2 无菌 PCR 管中准备如下反应体系：

试剂	使用量
● 5X Tagment Buffer	4 $\mu$ L
Input DNA	1 ng
● Tagment Enzyme T1	5 $\mu$ L
ddH <sub>2</sub> O	Up to 20 $\mu$ L
Total	20 $\mu$ L

注：若有多个样品，请注意更换枪头，避免样品间交叉污染；加组分时可以先加入 ddH<sub>2</sub>O，再加入其它组分，最后统一加入 Tagment Enzyme T1。

8.1.3 使用移液器上下吸打，充分混匀。

8.1.4 将 PCR 管放到 PCR 仪上，进行如下的反应程序：

反应温度	时间
热盖(75°C)	---
55°C	5 min
12°C	hold

8.1.5 反应结束，立即取出 PCR 管，加入 2  $\mu$ L 6X Termination Buffer，涡旋混匀或使用移液枪上下吸打，充分混匀后室温孵育 5 min。

注：此步骤是终止打断反应，使转座酶和 DNA 片段相互分离；若不进行此步骤会导致文库产量的降低。

## 8.2 PCR 文库富集

### 8.2.1 试剂准备

试剂	储存条件	使用说明
● PCR Mix	-20°C	冰上解冻后涡旋混匀，离心后使用
Index Primers	-20°C	冰上解冻后涡旋混匀，离心后使用
Tagment Products (from Step 8.1.5)	冰上	直接使用

### 8.2.2 配制 PCR 反应体系如下：

试剂	使用量
● PCR Mix	23 $\mu$ L
Tagment Products (来自步骤 8.1.5)	22 $\mu$ L
● N5xx (Index Primers)	2.5 $\mu$ L
● N7xx (Index Primers)	2.5 $\mu$ L
Total	50 $\mu$ L

### 8.2.3 将配好的 PCR 反应体系涡旋混匀，离心后放入 PCR 仪进行如下程序：

反应温度	时间	循环数
热盖(105°C)	---	---
72°C	3 min	1
98°C	30 s	1
98°C	15 s	
60°C	30 s	13
72°C	1 min	
72°C	5 min	1
4°C	hold	---

8.2.4 PCR 反应结束后，可直接进行扩增产物纯化（按照操作步骤 8.3 扩增产物纯化方案进行操作）或者片段大小筛选（按照操作步骤 8.4 扩增产物片段大小筛选方案进行操作）。

## 8.3 扩增产物纯化方案

### 8.3.1 试剂准备

试剂	储存条件	使用说明
AFTMag NGS DNA Clean Beads	4°C	使用前室温平衡半小时，使用前涡旋混匀
80%乙醇	室温	将无水乙醇稀释至 80%浓度，现配现用

8.3.2 加 50  $\mu\text{L}$  AFTMag NGS DNA Clean Beads (1X)，使用移液器上下吸打，充分混匀，室温静置 5 min。

8.3.3 将 PCR 管放到磁力架上，待溶液澄清后，移除上清液（不要碰到磁珠）。

8.3.4 加入 200  $\mu\text{L}$  的 80%的乙醇漂洗磁珠，孵育 30 s 后移除上清液。

8.3.5 重复步骤 8.3.4 一次。

8.3.6 保持 PCR 管在磁力架上，用 10  $\mu\text{L}$  移液器移除管底残留的乙醇，并打开 PCR 管盖干燥至管中不再有残留乙醇。

8.3.6 取出干燥的 PCR 管，加入 32  $\mu\text{L}$  超纯水，充分混匀，室温孵育 2 min。

8.3.7 重新将 PCR 管置于磁力架上，待溶液澄清后，吸取 30  $\mu\text{L}$  上清液转移至新的 PCR 管中。

8.3.8 洗脱下来的 DNA 可以在 -20°C 冰箱长期保存，用于后续的 QC，测序等。

## 8.4 扩增产物片段大小分选方案

### 8.4.1 试剂准备

试剂	储存条件	使用说明
AFTMag NGS DNA Clean Beads	4°C	使用前室温平衡半小时，使用前涡旋混匀
80% 乙醇	室温	将无水乙醇稀释至 80%浓度，现配现用

片段分选方案如下表所示：

文库平均片段大小	350 bp	450 bp	550 bp
第一轮磁珠用量	35 $\mu\text{L}$ (0.70X)	30 $\mu\text{L}$ (0.60X)	25 $\mu\text{L}$ (0.50X)
第二轮磁珠用量	10 $\mu\text{L}$ (0.20X)	7.5 $\mu\text{L}$ (0.15X)	7.5 $\mu\text{L}$ (0.15X)

8.4.2 磁珠使用前涡旋混匀，按照表中需要筛选的片段大小，轻轻吸取第一轮磁珠需要的用量，加入 PCR 管中，涡旋振荡或移液器上下吸打充分混匀，室温静置 5 min。

8.4.3 将 PCR 管放到磁力架上，待溶液澄清后，移除上清液至新的 PCR 管中，丢弃磁珠。

8.4.4 按表中第二轮磁珠需要的用量，吸取相应体积的磁珠加至新的 PCR 管中，涡旋振荡或移液器上下吸打充分混匀，室温静置 5 min。

8.4.5 将 PCR 管放到磁力架上，待溶液澄清后，移除上清液。

8.4.6 加入 200  $\mu\text{L}$  的 80% 的乙醇漂洗磁珠，孵育 30 s 后移除上清液。

8.4.7 重复步骤 8.4.6 一次。

8.4.8 保持 PCR 管在磁力架上，用 10  $\mu\text{L}$  移液器移除管底残留的乙醇，并打开 PCR 管盖干燥至管中不再有残留乙醇。

8.4.9 取出干燥的 PCR 管，加入 22  $\mu\text{L}$  超纯水，充分混匀，室温孵育 2 min。

8.4.10 重新将 PCR 管置于磁力架上，待溶液澄清后，吸取上清液 20  $\mu\text{L}$  转移至新的 PCR 管。

8.4.11 洗脱下来的 DNA 可以在 -20°C 冰箱长期保存，用于后续的 QC，测序等。

# 9. 附录

## 9.1 文库鉴定

### 9.1.1 直接纯化的文库

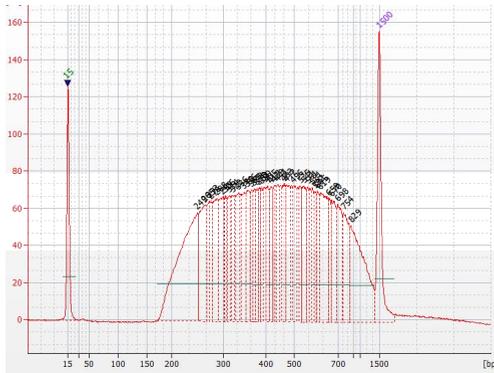


图 2. *E.coli* gDNA 建库直接纯化的片段化文库

按照操作步骤 8.3, 使用 1.0X AFTMag NGS DNA Clean Beads 直接纯化 PCR 产物。然后使用 Agilent 2100 Bioanalyzer DNA 1000 chip 分析文库片段大小分布, 典型的片段化文库大小分布在 200 bp-1000 bp。

### 9.1.2 分选后的文库

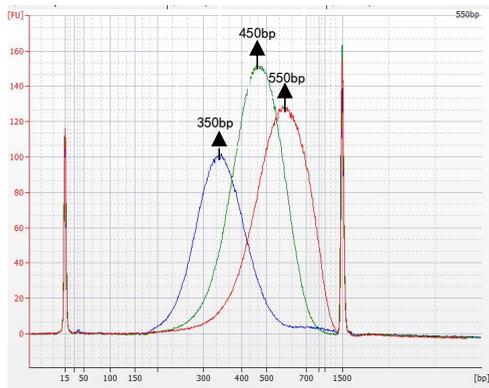


图 3. *E.coli* gDNA 片段分选后的文库

按照操作步骤 8.4 中磁珠的使用比例，获取预期平均大小的文库。然后使用 Agilent 2100 Bioanalyzer DNA 1000 chip 分析文库片段大小分布。

## 9.2 常见问题及解决方案

### 9.2.1 为什么打断的片段偏大？

答：由于转座酶对 Input DNA 样品的量十分敏感，所以浓度的准确测定对实验成功非常重要。文库打断的片段偏大的可能原因是 Input DNA 量过多，减少 Input DNA 的量会减少大片段的产生；还有可能是 Input DNA 中存在抑制剂。建议基于荧光法准确测定浓度，按照试剂盒推荐量加入。采用可靠的 DNA 纯化方法，去除可能干扰转座酶工作的化学物质，保留高质量的 DNA。

### 9.2.2 为什么打断的片段偏小？

答：文库打断的片段偏小主要的原因是 Input DNA 量过少或者是使用了降解的 DNA 样品，如 FFPE 样品等。建议增加 Input DNA 的量，使用高质量的 DNA 样品，或者减少 DNA 片段化时间。

### 9.2.3 PCR 文库富集反应程序中的第一步 72°C, 3 min 可以删除吗？

答：不可以，因为该反应步骤是为了补齐转座酶打断过程中形成的缺口，如果删除该步骤，可能导致文库产量下降。

### 9.2.4 该产品除了可以打断基因组 DNA，可以用于其他 DNA 的片段化吗？

答：试剂盒也可以用于打断 PCR 产物，质粒，cDNA 等双链 DNA 样品。如果是 PCR 产物的话，建议长度大于 300 bp，两端各延伸 50 bp 左右，避免出现测序时末端覆盖度的下降。

### 9.2.5 One step 系列能提供多少 index 组合？

答：Dual DNA Adapter 96 Kit for One-step DNA Lib Prep (ABclonal, Cat.NO. RK20290) 包含 8 中 N5XX 和 12 种 N7XX，可提供 96 种 index 组合。

## **中国**

[www.abclonal.com.cn](http://www.abclonal.com.cn)

中国总部：湖北省武汉市江夏区东湖高新区高科园 3 路精准医疗产业基地  
项目一期 5 号楼

上海分子研发中心：上海市闵行区园美路 58 号紫竹新兴产业技术研究院  
2 号楼 4 楼

美国研发中心：86 Cummings Park Dr ,Woburn, MA 01801, United States

电话：400-999-6126

邮箱：[cn.market@abclonal.com](mailto:cn.market@abclonal.com)